



## فصل ۲

## جریان اطلاعات در یاخته

جهش جانشینی دگرمعنا (کوچک)

تصویر بالا دو گویچه قرمز را نشان می‌دهد. گویچه سمت راست مربوط به شخصی است که دچار نوعی بیماری (رثی) به نام کم‌خونی داسی شکل<sup>۱</sup> است. علت این بیماری نوعی تغییر ژنی است که باعث می‌شود پروتئین هموگلوبین حاصل از آن دچار تغییر شود که نتیجه آن تغییر شکل گویچه قرمز از حالت گرد به داسی شکل است. این تغییر ژنی، بسیار جزئی است و در آن تنها یک جفت<sup>۲</sup> از صدها جفت نوکلئوتید دنا در افراد بیمار تغییر یافته است. همچنین این بیماری به نوعی، رابطه بین ژن و پروتئین را نشان می‌دهد. به نظر شما اطلاعات ژن‌ها چگونه در این یاخته‌ها مورد استفاده قرار می‌گیرد؟ آیا این اطلاعات در سایر یاخته‌ها نیز وجود دارد؟ چرا بعضی ژن‌ها مانند ژن سازنده هموگلوبین فقط در گویچه‌های قرمز بروز می‌کنند و مثلاً در یاخته‌های بافت پوششی پوست بروز نمی‌کنند؟ این موارد نمونه پرسش‌هایی هستند که در این فصل به آنها پاسخ داده می‌شود.

قرارگیری نوکلئوتید A به جای T در یک کدون خاص در هموگلوبین

  
 طرح سؤالات عددی و  
 محاسباتی از مباحث این فصل  
 در همه آزمون‌ها از جمله  
 کنکور سراسری ممنوع است.



نمونه:

Sickle cell anemia ۱.

؟ (جاخالی) علت بیماری کم‌خونی داسی شکل را بنویسید. (تالیفی)

گروه آلفا

باکس نکات:

\* در هر چرخه سلولی بارها RNA می تواند ساخته شود؛ حتی اگر سلول در مرحله G<sub>0</sub> باشد.

\* محل انجام هر دو فرایند رونویسی و همانندسازی درون نوعی اندامک دوغشایی است.

در فصل گذشته دیدید که واحد سازنده مولکول دنا، نوکلئوتید است ولی پلی پپتیدها از آمینواسید تشکیل شده اند. چون دستورالعمل ساخت پلی پپتیدها در مولکول دنا قرار دارد، پس باید بین نوکلئوتیدهای ژن و آمینواسیدهای پلی پپتید، ارتباطی وجود داشته باشد.

دنا چگونه نوع آمینواسیدهای پلی پپتید را تعیین می کند؟

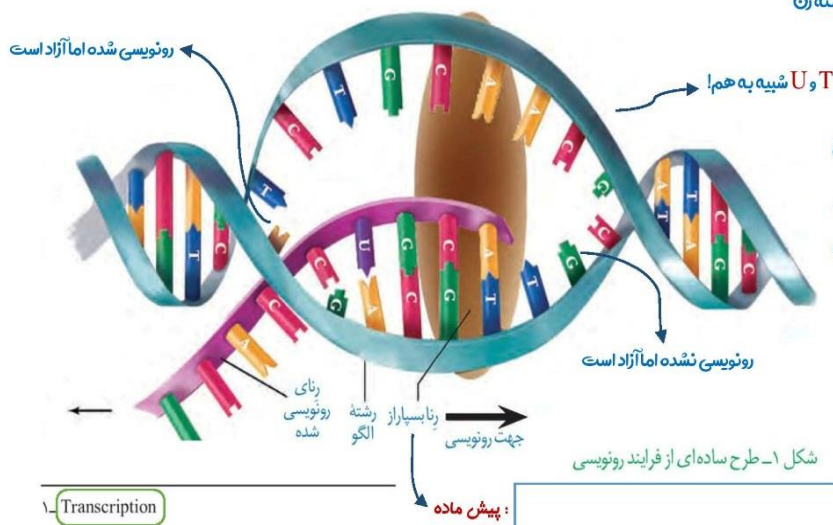
آموختید که در مولکول دنا، ۴ نوع نوکلئوتید وجود دارد که فقط در نوع بازهای آلی تفاوت دارند. درحالی که پلی پپتیدها از ۲۰ نوع آمینواسید تشکیل شده اند. پس از پژوهش هایی مشخص شد که هر توالی ۳ تایی از نوکلئوتیدهای دنا، بیانگر نوعی آمینواسید است. با ۴ نوع نوکلئوتید به کار رفته در دنا، ۶۴ توالی ۳ نوکلئوتیدی مختلف ایجاد می شود که می توانند رمز ساخت پلی پپتیدهایی با ۲۰ نوع آمینواسید را داشته باشند؛ به هر یک از این توالی های سه نوکلئوتیدی در دنا رمز می گویند.

کدون

نقش مولکول رنا به عنوان میانجی

می دانید که پلی پپتیدها بر اساس اطلاعات دنا و توسط رناتن ها در سیتوپلاسم ساخته می شوند. در یاخته های دارای هسته، چون رناتن ها درون هسته حضور ندارند، فرایند ساخت پلی پپتید در آن انجام نمی شود. با توجه به اینکه اطلاعات دنا برای ساخت پلی پپتید ضروری است و دنا هم از هسته خارج نمی شود، این سؤال پیش می آید که دستورات ساخت پلی پپتید چگونه به بیرون هسته منتقل می شود؟ پاسخ در مولکول رنا است. همان طور که دیدید انواعی از رنا در یاخته وجود دارند که در پروتئین سازی نقش دارند. این رناها از روی مولکول دنا ساخته می شوند. به ساخته شدن مولکول رنا از روی بخشی از یک رشته دنا، رونویسی گفته می شود (شکل ۱).

یک رشته ژن



\* در هر حباب رونویسی ۳ رشته پلی نوکلئوتیدی متفاوت دیده می شود.

\* در هر حباب رونویسی، فقط یک آنزیم RNA پلیمراز فعالیت می کند.

؟ علت مورد زیر را بنویسید (شهریور ۱۴۰۰)

در یاخته های دارای هسته، فرایند ساخت پلی پپتید در هسته انجام نمی شود.

اساس رونویسی شبیه همانندسازی است. در این فرایند نیز با توجه به نوکلئوتیدهای رشته دنا، نوکلئوتیدهای مکمل در زنجیره رنا قرار می‌گیرد و به هم متصل می‌شوند. برخلاف همانندسازی که در هر چرخهٔ یاخته‌ای یک بار انجام می‌شود، رونویسی یک ژن **می‌تواند** در هر چرخهٔ بارها انجام شود و چندین رشته رنا ساخته شود. آیا می‌توانید تفاوت‌های دیگری برای این دو فرایند بیان کنید؟

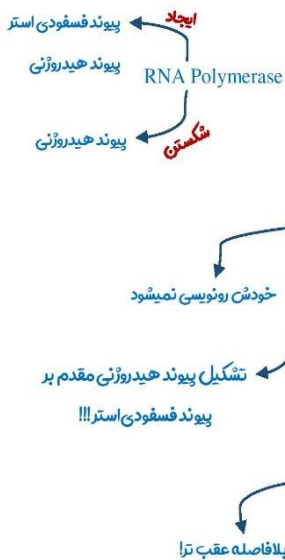
### آنزیم‌های ویژه‌ای رونویسی را تسهیل می‌کنند

در یاخته انواعی از رنا ساخته می‌شود. عمل رونویسی از دنا به کمک آنزیم‌ها انجام می‌شود. این آنزیم‌ها را، تحت عنوان کلی **رنابسپاراز** نام‌گذاری می‌کنند. **از همه ژن‌ها رونویسی می‌کند**. در پروکاریوت‌ها یک نوع **رنابسپاراز** وظیفهٔ ساخت انواع رنا را بر عهده دارد. در یوکاریوت‌ها، **انواعی** از رنابسپاراز، ساخت رناهای مختلف را انجام می‌دهند؛ مثلاً رنای پیک توسط رنابسپاراز ۲، رنای ناقل توسط رنابسپاراز ۳ و رنای رناتی توسط رنابسپاراز ۱ ساخته می‌شود.

هرکدام از ژن‌های خاصی رونویسی می‌کند

### مراحل رونویسی

رونویسی فرایندی **پیوسته** است ولی برای سادگی موضوع، آن را به سه مرحلهٔ **آغاز**، **طویل شدن** و **پایان** تقسیم می‌کنند. در این مراحل، آنزیم رنابسپاراز، عمل رونویسی را از بخشی از یک رشته دنا انجام می‌دهد.



**مرحله آغاز:** در این مرحله، رنابسپاراز به مولکول دنا متصل می‌شود و دو رشتهٔ آن را از هم باز می‌کند. به نظر شما برای باز شدن دو رشته کدام پیوندها در این ناحیه شکسته می‌شوند؟ برای اینکه رونویسی ژن از محل صحیح خود شروع شود توالی‌های نوکلئوتیدی ویژه‌ای در دنا وجود دارد که رنابسپاراز آن را شناسایی می‌کند. به این توالی‌ها، **راه‌انداز** گفته می‌شود. راه‌انداز موجب می‌شود رنابسپاراز اولین نوکلئوتید مناسب را به طور دقیق پیدا و رونویسی را از آنجا آغاز کند. در این حالت بخش کوچکی از مولکول دنا باز و زنجیره کوتاهی از رنا ساخته می‌شود (شکل ۲- الف). نحوهٔ عمل رنابسپاراز به این صورت است که آنزیم با توجه به نوع نوکلئوتید رشته الگوی دنا، نوکلئوتید مکمل را در برابر آن قرار می‌دهد و سپس این نوکلئوتید را به نوکلئوتید قبلی رشته رنا متصل می‌کند. در رونویسی، نوکلئوتید یوراسیل دار رنا به عنوان مکمل در برابر نوکلئوتید آدنین دار دنا قرار می‌گیرد.

**مرحله طویل شدن:** در این مرحله رنابسپاراز ساخت رنا را ادامه می‌دهد که در نتیجهٔ آن، رنا طویل می‌شود. همچنان که مولکول رنابسپاراز به پیش می‌رود، دو رشته دنا در جلوی آن باز و در چندین نوکلئوتید عقب‌تر، رنا از دنا جدا می‌شود و دو رشته دنا مجدداً به هم می‌پیوندند (شکل ۲- ب).

**مرحله پایان:** در دنا توالی‌های ویژه‌ای وجود دارد که موجب پایان رونویسی توسط آنزیم رنابسپاراز

- ۱- RNA Polymerase
- ۲- Initiation
- ۳- Promoter
- ۴- Elongation
- ۵- Termination

### باکس نکات:

\* در یاخته‌های یوکاریوتی همانند پروکاریوت‌ها هر مولکول DNA دارای چندین جایگاه شروع رونویسی است.

\* رنابسپاراز ویرایش انجام نمی‌دهد و پیوند فسفودی استر را نمی‌شکند.

\* در هیچکدام از مراحل رونویسی، شکسته شدن پیوند فسفودی استر مشاهده نمی‌شود.

\* شکستن پیوند کووالانسی (اشتراکی) در رونویسی، در مراحل ..... و ..... دیده می‌شود.

(ص اغ) نوع نوکلئوتیدی که در فرایند همانندسازی و رونویسی مقابل نوکلئوتید گوانین دار قرار می‌گیرد،

یکسان است. (خرداد ۱۴۰۲)

(انتخابی) در پروکاریوت‌ها (یک نوع / انواع) رنا بسپاراز (RNA پلی‌مراز) وظیفه ساختن انواع

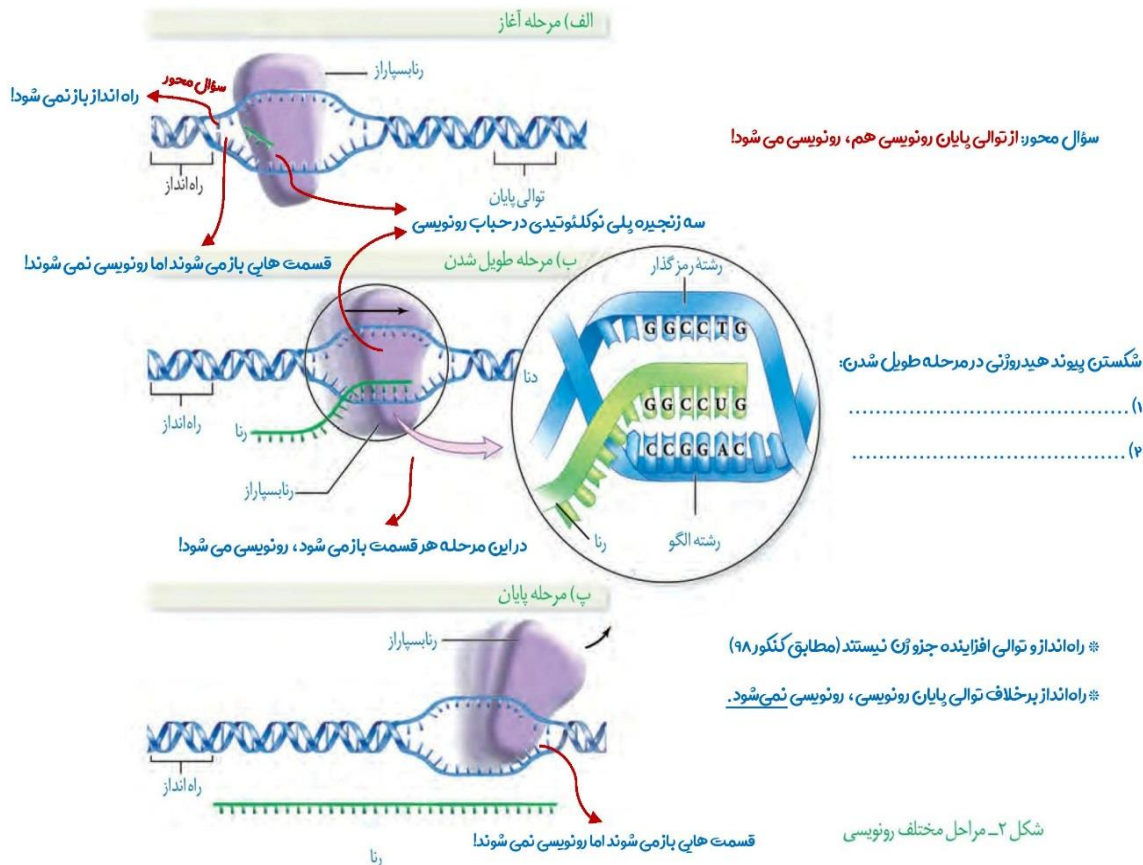
رنا را بر عهده دارد. (خرداد ۱۴۰۱)

نام آنزیم بازکننده دو رشته دنا (DNA) در همانندسازی و رونویسی را بنویسید. (خرداد ۱۴۰۲)

باکس نکات:

\* آنزیم رنابسپاراز در تمام طول رونویسی روی هر دو رشته DNA قرار می‌گیرد ولی رونویسی را فقط از روی یک رشته DNA انجام می‌دهد.

می‌شوند. در این محل‌ها، آنزیم از مولکول دنا و رنای تازه ساخت جدا و دو رشته دنا به هم متصل می‌شوند (شکل ۲-پ).



**فقط یکی از دو رشته دنا در هر ژن رونویسی می‌شود**

همان‌طور که گفته شد، ژن بخشی از مولکول دنا که دو رشته‌ای است ولی رونویسی از روی هر دو رشته یک ژن انجام نمی‌شود. به نظر شما اگر از روی دو رشته یک ژن رونویسی انجام می‌شد، محصولات این دو رشته مکمل نسبت به هم چگونه می‌شدند؟ مسلماً رنا و پلی‌پپتید ساخته شده از روی دو رشته مکمل دنا بسیار متفاوت می‌شدند. بنابراین برای هر ژن خاص، یکی از دو رشته رونویسی می‌شود. به بخشی از رشته دنا که مکمل رشته رنای رونویسی شده است **رشته الگو** می‌گویند (شکل ۲-الف). به رشته مکمل همین بخش در مولکول دنا، **رشته رمزگذار** گفته می‌شود، زیرا توالی نوکلئوتیدی آن شبیه رشته رنایی است که از روی رشته الگوی آن ساخته می‌شود. به نظر شما رشته رنا با رشته رمزگذار چه تفاوت‌هایی می‌تواند داشته باشد؟ پاسخ در نوکلئوتیدهای مورد استفاده است؛ مثلاً به جای نوکلئوتید تیمین دار در دنا، نوکلئوتید یوراسیل دار در رنا قرار دارد.



۱- Template

؟ (جاخالی) رنای رونویسی شده از رشته الگو در ابتدا دارای رونوشت‌های میانه دنا است. به این رنا ..... گفته می‌شود. (خرداد ۱۳۹۹)

رشته رنایی که از روی رشته الگوی دنا ساخته شده است با رشته رمزگذار چه تفاوتی می‌تواند داشته باشد؟ (خرداد ۱۴۰۱)

- ژن‌های مختلف یک مولکول DNA در یک زمان می‌توانند رونویسی شوند؛ ولی رونویسی‌شان جدا از هم است.

- جهت رونویسی در ژن‌های مختلف می‌تواند یکسان یا متفاوت باشد. (رشته الگو یکسان یا متفاوت).

- در محل هر ژن قطعه رشته الگو ثابت است؛ زیرا تغییر رشته الگو محصولات متفاوتی تولید می‌کند.

رشته مورد رونویسی یک ژن ممکن است با رشته مورد رونویسی ژن‌های دیگر یکسان یا متفاوت باشد (شکل ۳).

بسیار مهم!

جهت رونویسی در دو رشته خلاف یکدیگر است!!!

قانون ۳ و ۵



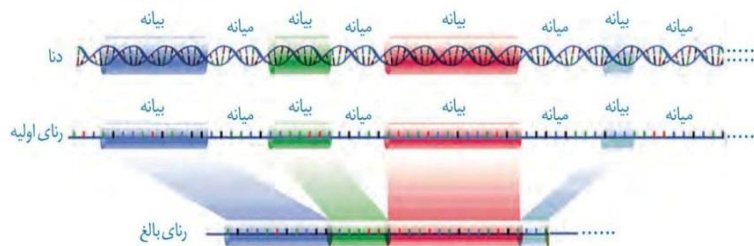
شکل ۳- همان طور که در شکل مشاهده می‌شود، فقط یکی از دو رشته هر ژن رونویسی می‌شود.

### رناهای ساخته شده دچار تغییر می‌شوند

در چند دهه گذشته، پژوهشگران دریافته‌اند که در **یاخته‌های یوکاریوتی** رنای ساخته شده در رونویسی با رنایی که در سیتوپلاسم وجود دارد تفاوت‌هایی دارد. بعدها مشخص شد که این مولکول‌ها برای انجام کارهای خود دستخوش تغییراتی می‌شوند.

### تغییرات رنای پیک

رنای پیک ممکن است دستخوش تغییراتی در **حین رونویسی و یا پس از آن** شود. یکی از این تغییرات حذف بخش‌هایی از مولکول رنای پیک است. در **بعضی ژن‌ها**، توالی‌های معینی از رنای ساخته شده، جدا و حذف می‌شود و سایر بخش‌ها به هم متصل می‌شوند و یک رنای پیک یکپارچه می‌سازند. به این فرایند **پیرایش** گفته می‌شود (شکل ۴).



شکل ۴- پیرایش در بخشی از رنای یک ژن

این فرایند هنگامی آشکار شد که دانشمندان یک رنای پیک درون سیتوپلاسم را با رشته الگوی ژن آن در دنا مجاور دادند. آنها دریافته‌اند که بخش‌هایی از دنا الگو با رنای رونویسی شده، دو رشته مکمل را تشکیل می‌دهند ولی بخش‌هایی نیز فاقد مکمل باقی می‌مانند. این بخش‌ها به صورت حلقه‌هایی بیرون از مولکول دو رشته‌ای قرار می‌گیرند. به این نواحی که در مولکول دنا وجود دارد ولی **رونوشت نه خود آن!** آن در رنای پیک سیتوپلاسمی حذف شده **میان (اینترون)**<sup>۲</sup> می‌گویند. به سایر بخش‌های مولکول

۱- Splicing  
۲- Intron

اینترون و آگزون قسمتی از توالی DNA می‌باشند که توسط آنزیم دنا بسیار از ساخته می‌شوند؛ ولی

رونوشت اینترون و آگزون، روی mRNA اولیه یوکاریوتی توسط رنا بسیار از ساخته می‌شوند.

؟ (ص/غ) رشته مورد رونویسی یک ژن ممکن است با رشته مورد رونویسی ژن‌های دیگر

یکسان یا متفاوت باشد. (دی ۱۴۰۱)

(ص/غ) در یاخته‌های یوکاریوتی رناهای ساخته شده در رونویسی برای انجام کارهای خود، دستخوش

تغییراتی می‌شوند. (شهریور ۱۳۹۹)

(ص/غ) فقط یکی از دو رشته هر ژن رونویسی می‌شود. (دی ۱۳۹۸)

بکس نکات:

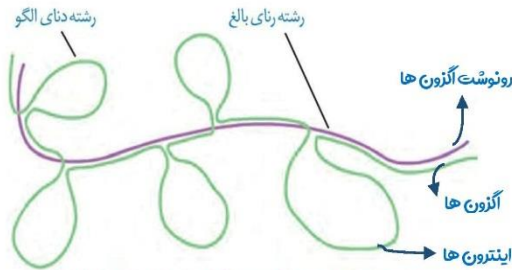
\* هیچ دو ژنی در مولکول DNA توالی یکسان ندارند. (توالی ژن‌های مختلف، متفاوت است.)

\* تمام رنابسپارازهای در حال فعالیت در یک ساختار پرماند، از یک نوع اند. ← پس تمام رناهای در حال ساخت، یکسان اند.

حذف میانه‌ها در DNA جهش و در RNA پیرایش محسوب می‌شود.

نه خود آری‌ها

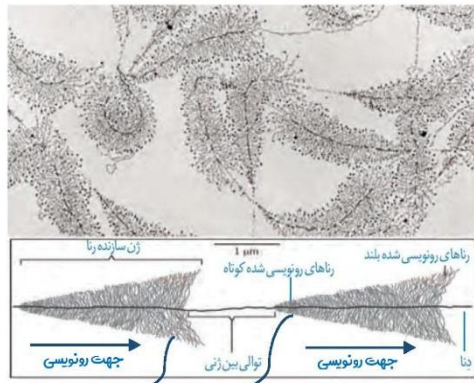
دنا، که رونوشت آنها حذف نمی‌شوند بیان (اگزون) گفته می‌شود (شکل ۵). در واقع رنای رونویسی شده از رشته الگو، در ابتدا دارای رونوشت‌های میانه دنا است. به این رنا، رنای نابالغ یا اولیه گفته می‌شود. با حذف این رونوشت‌ها از رنای اولیه و پیوستن بخش‌های باقی‌مانده به هم، رنای بالغ ساخته می‌شود.



شکل ۵- طرح ساده‌ای از رشته الگوی مولکول دنا و رنای بالغ حاصل از آن. به نظر شما حلقه‌های سبز میانه هستند یا بیان؟

شدت و میزان رونویسی

به طور کلی میزان رونویسی یک ژن به مقدار نیاز یاخته به فرآورده‌های آن بستگی دارد. بعضی ژن‌ها، مانند ژن‌های سازنده رنای رناتی در یاخته‌های تازه تقسیم شده بسیار فعال اند؛ زیرا باید تعداد زیادی از این نوع رنا را بسازند. در این نوع ژن‌ها، هم‌زمان تعداد زیادی رنابسپاراز از ژن رونویسی می‌کنند. به این دلیل که در هر زمان، رنابسپارازها در مراحل مختلفی از رونویسی هستند، در زیر میکروسکوپ الکترونی، اندازه رناهای ساخته شده متفاوت دیده می‌شود. در این تصاویر رناها از اندازه کوتاه به بلند دیده می‌شود (شکل ۶). با توجه به شکل آیا می‌توانید جهت رونویسی هر ژن را مشخص کنید؟



شکل ۶- ساخته شدن هم‌زمان چندین رنا از روی ژن

بیشتر بدانید رناهای در حال ساخت در «هر دو سمت» قرار می‌گیرند

نقش زیستی میانه‌ها و بیان‌ها

اندازه میانه‌ها ممکن است بخش عمده‌ای از رنای اولیه را تشکیل دهد که در رنای بالغ حذف می‌شود. با توجه به اینکه یاخته برای رونویسی میانه‌ها انرژی زیادی صرف می‌کند، این سؤال پیش می‌آید که نقش زیستی این اجزا در یاخته چیست؟ به نظر می‌رسد یکی از نقش‌های میانه، تنظیم رونویسی و در نتیجه تعداد رونوشت‌ها است. با افزایش تعداد و اندازه میانه‌ها، رونویسی از ژن‌ها بیشتر طول می‌کشد و در نتیجه محصول کمتری تولید می‌شود. نقش دیگر میانه‌ها، ایجاد تنوع در محصول است که نتیجه پیرایش متفاوت رنای بیک است. با اینکه در بعضی ژن‌ها چسبیدن رونوشت‌های بیان یک ژن، به طور منظم و یکنواخت انجام می‌شود، در بعضی دیگر از ژن‌ها، چسبیدن رونوشت‌های بیان به صورت تصادفی انجام می‌شود (شکل زیر). پیرایش‌های متفاوت از یک ژن منجر به ساخته شدن رناهای مختلف می‌شود که می‌تواند پلی‌پپتیدهای متفاوتی را ایجاد کند. در پیرایش حتی ممکن است بخش‌های بیان یک رونوشت به بخش‌هایی از بیان‌های رونوشت دیگر متصل شود و بر گوناگونی محصول اضافه کند. نقش دیگری که برای میانه‌ها در نظر می‌گیرند، کاهش آسیب‌های مؤثر به دنا است زیرا برخی آسیب‌ها ممکن است در محل میانه‌ها رخ دهند که با حذف آنها، آسیب‌ها اثری نخواهند داشت.



- ۱- Exon
- ۲- Precursor mRNA (Pre-mRNA)
- ۳- Mature messenger RNA

؟ (جاخالی) به بخش‌هایی که در مولکول دنا وجود دارند و رونوشت آن‌ها در رنای بیک سیتوپلاسمی حذف نمی‌شوند، ..... می‌گویند. (دی ۱۳۹۷)

شکل زیر طرح ساده‌ای از رشته الگوی مولکول دنا و رنای بالغ حاصل از آن را نشان می‌دهد. با توجه به شکل به پرسش‌ها پاسخ دهید. (شهریور ۱۴۰۱)



الف) حلقه‌ها میانه (اینترون) هستند یا بیان (اگزون)؟

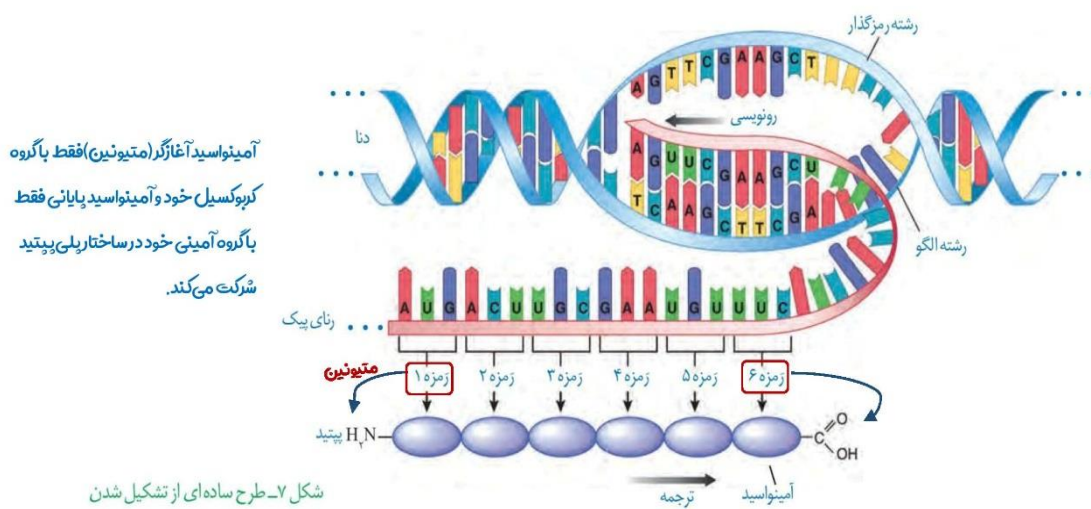
ب) فرایند جداسازی و حذف بخش‌هایی از رنای اولیه و ساخته شدن رنای بالغ را چه می‌گویند؟

## گفتار ۲ به سوی پروتئین

پلی پپتیدها از مهم‌ترین فرآورده‌های ژن‌ها هستند. پروتئین‌ها اعمال مختلفی را در بدن انجام می‌دهند که پیش از این با برخی از آنها آشنا شده‌اید. اینکه چگونه ژن‌ها و پروتئین‌های حاصل از آن، صفات را ایجاد می‌کنند در آینده مورد بحث قرار می‌گیرند. در این گفتار به نحوه تبدیل اطلاعات وراثتی رنا، به پروتئین می‌پردازیم.

## تبدیل زبان نوکلئیک اسیدی رنا به زبان پلی پپتیدی

دانستید که در فرایند رونویسی از روی توالی‌های دنا، رنا ساخته می‌شود که هر دو از نوکلئوتید تشکیل شده‌اند. ولی در ساختار پلی پپتیدها، آمینواسید وجود دارد. به ساخته شدن پلی پپتید از روی اطلاعات رنای پیک، ترجمه می‌گویند. طرح ساده‌ای از ژن تا پلی پپتید را در شکل زیر مشاهده می‌کنید (شکل ۷).



توالی‌های ۳ نوکلئوتیدی رنای پیک تعیین می‌کند که کدام آمینواسیدها باید در ساختار پلی پپتید قرار بگیرد. به این توالی‌ها، رمزه (کدون) گفته می‌شود. در یاخته ۶۴ نوع رمزه موجود دارد. نکته قابل توجه این است که رمزه آمینواسیدها در جانداران یکسان اند. به نظر شما این موضوع بیانگر چه واقعیتی است؟ رمزه‌های UAG, UGA, UAA هیچ آمینواسیدی را رمز نمی‌کنند که به آنها رمزه پایان می‌گویند. زیرا حضور این رمزه‌ها در رنای پیک موجب پایان یافتن عمل ترجمه می‌شود. رمزه آغاز یا AUG رمزه‌ای است که ترجمه از آن آغاز می‌شود. این رمزه، معرف آمینواسید متیونین نیز است.

همیشه اولین aa متیونین است

۱- Translation  
۲- Codon

پادرمزه‌های AUU, ACU, AUC اصلاً نداریم.

؟ (جاخالی) رمزه UAG هیچ آمینواسیدی را رمز نمی‌کند و به آن ..... می‌گویند. (خرداد ۱۴۰۰)

(انتخابی) رمزه (UAG - AUG) هیچ آمینواسیدی را رمز نمی‌کند که به آن رمزه پایان می‌گویند. (شهریور ۱۴۰۱)

(انتخابی) رمزه (کدون) (UAG / AUG) هیچ آمینواسیدی را رمز نمی‌کند. (خرداد ۱۴۰۱)

		حرف دوم				
		U	C	A	G	
حرف اول	U	UUU فیل آلانین UUC لوسین	UCU سرن UCC UCA UCG	UAU تیروزین UAC ژمه پایان UAA ژمه پایان UAG	UGU سیستین UGC ژمه پایان UGA تریپتوفان UGG	U C A G
	C	CUU لوسین CUC CUA CUG	CCU پرولین CCC CCA CCG	CAU هیستیدین CAC گلوتامین CAA CAG	CGU آرژین CGC CGA CGG	U C A G
	A	AUU ایزولوسین AUC AUA AUG متیونین ژمه آغاز	ACU ترئونین ACC ACA ACG	AAU آسپارازین AAC لیزین AAA AAG	AGU سرن AGC آرژین AGA AGG	U C A G
G	GUU والین GUC GUA GUG	GCU آلانین GCC GCA GCG	GAU آسپارتیک اسید GAC گلوتامیک اسید GAA GAG	GGU گلیسین GGC GGA GGG	U C A G	

**طرح پرسش از این جدول در همه آزمون‌ها از جمله کنکور سراسری ممنوع است.**

گروه آلی

باکس نکات:

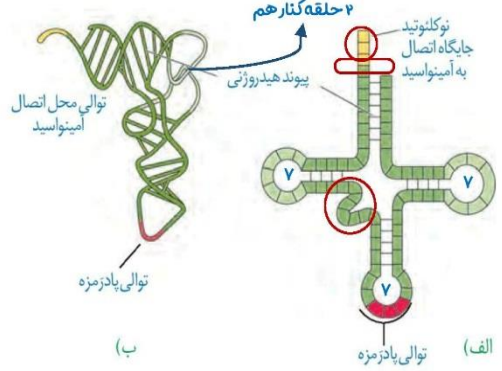
عوامل لازم در ترجمه

ترجمه نیازمند عوامل مختلفی است. ترجمه را می‌توان به یک فرایند آشپزی از روی کتاب آن تشبیه کرد. بر اساس دستورالعمل این کتاب، مواد اولیه به مقدار و ترتیب خاصی استفاده و غذای خاصی درست می‌شود. در ترجمه هم بر اساس ژمه‌های رنای پیک، پلی پپتید خاصی ساخته می‌شود. مواد اولیه مصرفی در ترجمه، آمینواسیدها هستند. رناتن‌ها و رناهای ناقل از دیگر عوامل لازم در ترجمه هستند. انرژی لازم برای تهیه پلی پپتید هم از مولکول‌های پر انرژی مانند ATP به دست می‌آید.

نه فقط!

ساختار رنای ناقل

رنای ناقل [پس] از رونویسی دچار تغییراتی می‌شود. در ساختار نهایی رنای ناقل، نوکلئوتیدهای مکمل می‌توانند پیوند هیدروژنی ایجاد کنند. به همین علت رنای تک رشته‌ای، روی خود تا می‌خورد (شکل ۸- الف). رنای ناقل تاخوردگی‌های مجددی پیدا می‌کند که ساختار سه بعدی را



شکل ۸- رنای ناقل (الف) تاخوردگی اولیه (ب) ساختار سه بعدی

آمینواسیدها از طریق گروه کربوکسیل خود به جایگاه اتصال آمینواسید متصل می‌شوند.

؟ (ص/غ) رنای ناقل [tRNA] تاخوردگی‌های مجددی پیدا می‌کند که ساختار سه بعدی را به وجود می‌آورد. (خرداد ۱۴۰۱)

(ص/غ) مواد اولیه مصرفی در ترجمه، ..... هستند. (شهریور ۱۴۰۰)

شکل روبه‌رو ساختار سه بعدی رنای ناقل را نشان می‌دهد. (شهریور ۱۴۰۱)



محل مشخص شده با مربع چه نام دارد؟

\* در ساختار رناتین (ریبوزوم) عناصر P, O, H, N, C حتمی وجود دارد.

\* زیر واحد بزرگ و کوچک رناتین فقط هنگام ترجمه در کنار یکدیگر قرار می‌گیرند و در غیر از زمان ترجمه، جدا از هم قرار دارند.

به وجود می‌آورد. در این ساختار یک بخش محل اتصال آمینواسید و دیگری توالی ۳ نوکلئوتیدی به نام **پادرمزه (آنتی کدون)**<sup>۱</sup> است (شکل ۸). به نظر شما علت این نام‌گذاری چیست؟ هنگام ترجمه، این توالی با توالی رمز مکرر خود پیوند هیدروژنی مناسب برقرار می‌کند.

در همه زنده‌ها، به جز در ناحیه پادرمزه‌ای، انواع توالی‌های مشابهی وجود دارند. انتظار این است که به تعداد انواع رمزها، پادرمزه وجود داشته باشد ولی تعداد انواع پادرمزه‌ها کمتر از رمزها است؛ مثلاً برای رمزهای پایان، رنای ناقل وجود ندارد.

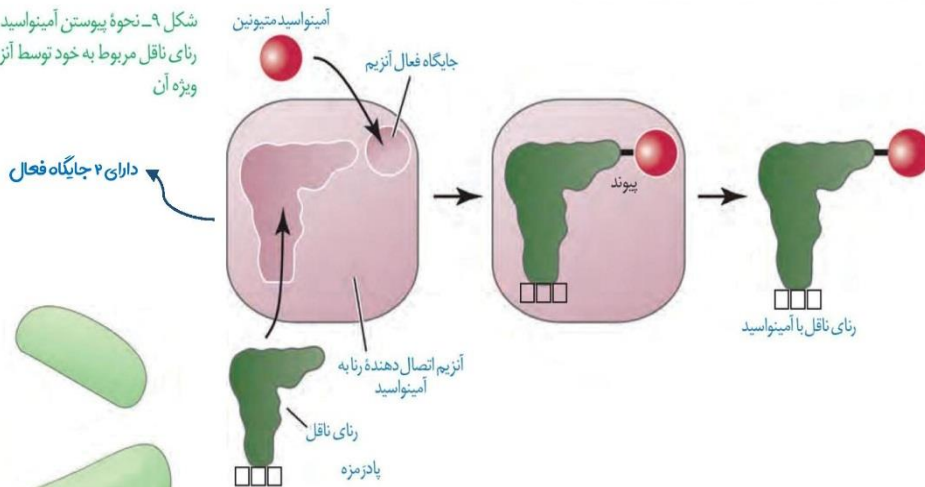
۲۱ نوع tRNA

**نحوه عمل رنای ناقل:** همان‌طور که گفته شد، آمینواسید به رنای ناقل متصل می‌شود. حال پرسش این است که آیا هر نوع آمینواسید به هر نوع رنای ناقل می‌تواند متصل شود؟ اهمیت بخش پادرمزه‌ای در این اتصال چیست؟

در واقع در یاخته‌ها، آنزیم‌های ویژه‌ای وجود دارند که بر اساس نوع توالی پادرمزه، آمینواسید مناسب را به رنای ناقل متصل می‌کنند؛ یعنی آنزیم با تشخیص پادرمزه در رنای ناقل، آمینواسید مناسب را یافته و به آن وصل می‌کند. این فرایند نیازمند انرژی است (شکل ۹).  
حال بر اساس آنچه تاکنون درباره رمزها خوانده‌اید آیا می‌توانید حدس بزنید رنای ناقل با چه توالی پادرمزه‌ای می‌تواند به آمینواسید متیونین متصل شود؟

آزاد درون سیتوسل  
درون میتوکندری و کلروپلاست  
ریبوزوم  
روی غشای بیرونی هسته  
روی شبکه آندوپلاسمی زبر

شکل ۹- نحوه پیوستن آمینواسید به رنای ناقل مربوط به خود توسط آنزیم ویژه آن



### ساختار رناتین

دانستید که رناتین در ساخت پلی‌پپتید نقش دارد. رناتین‌ها از دو زیر واحد تشکیل شده‌اند (شکل ۱۰). هر زیر واحد نیز از رنا و پروتئین تشکیل شده است. به یاد می‌آوردید که رنای رناتینی به وسیله کدام رنابسپارازها ساخته می‌شود؟ در یاخته، پروتئین‌های رناتینی ساخته شده و رنای مربوط به آنها در کنار هم قرار گرفته و زیر واحد کوچک و بزرگ رناتین را می‌سازد. رناتین در ساختار کامل سه جایگاه به نام E, P, A دارد که با آنها در ادامه آشنا خواهیم شد.

نه در زیر واحد خاص



شکل ۱۰- ترتیب قرارگیری زیر واحدهای رناتین

۱- Anticodon

؟ (ص/غ) به تعداد انواع رمزها پادرمزه وجود دارد. (خرداد ۱۴۰۰)

(جای خالی) در ساختار سه بعدی رنای ناقل یک بخش محل اتصال آمینواسید و دیگری توالی 3

نوکلئوتیدی به نام ..... است. (دی ۱۳۹۸)

در مورد رناتین (ریبوزوم) به پرسش‌های زیر پاسخ دهید. (دی ۱۳۹۹)

الف) جنس هر زیر واحد آن از چیست؟

ب) در ساختار کامل چند جایگاه دارد؟

بکس نکات:

\* اگر هنگام ترجمه tRNA از جایگاه E خارج شده باشد، می توان گفت .....  
 tRNA هم وارد جایگاه A شده است.

\* برای تولید پپتیدی با n آمینواسید، جابه جایی صورت می گیرد.

مراحل ترجمه

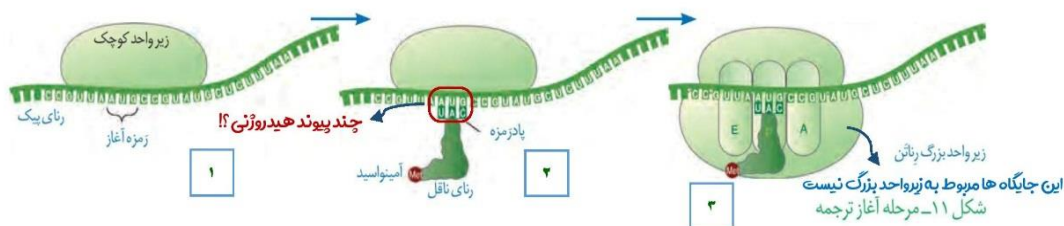
ورود tRNA به جایگاه A ← فقط در مرحله طولی شدن  
 ورود tRNA به جایگاه P ← هم در مرحله طولی شدن و هم آغاز  
 ورود tRNA به جایگاه E ← فقط در مرحله طولی شدن

P : Peptidyl site  
 A : Acceptor site  
 E : Exit site

ترجمه نیز فرآیندی پیوسته است که برای سادگی در یادگیری آن را به سه مرحله آغاز، طولی شدن و پایان تقسیم می کنند.

**مرحله آغاز:** در این مرحله بخش هایی از رزای پیک، زیر واحد کوچک رزانتن را به سوی زمزه آغاز، هدایت می کند. سپس در این محل رزای ناقلی که مکمل زمزه آغاز است به آن متصل می شود. با افزوده شدن زیر واحد بزرگ رزانتن به این مجموعه، ساختار رزانتن کامل می شود.

در این مرحله جایگاه P در رزانتن، محل قرارگیری رزای ناقل دارای آمینواسید است. این جایگاه در ابتدا توسط رزای ناقل متیونین اشغال می شود. جایگاه A محل قرارگیری رزای ناقل بعدی و آمینواسید متصل به آن خواهد بود. پیوند پپتیدی در جایگاه A برقرار می شود. جایگاه E محل خروج رزای ناقل بدون آمینواسید است. در مرحله آغاز فقط جایگاه P پر می شود و جایگاه A و E خالی می ماند (شکل ۱۱).

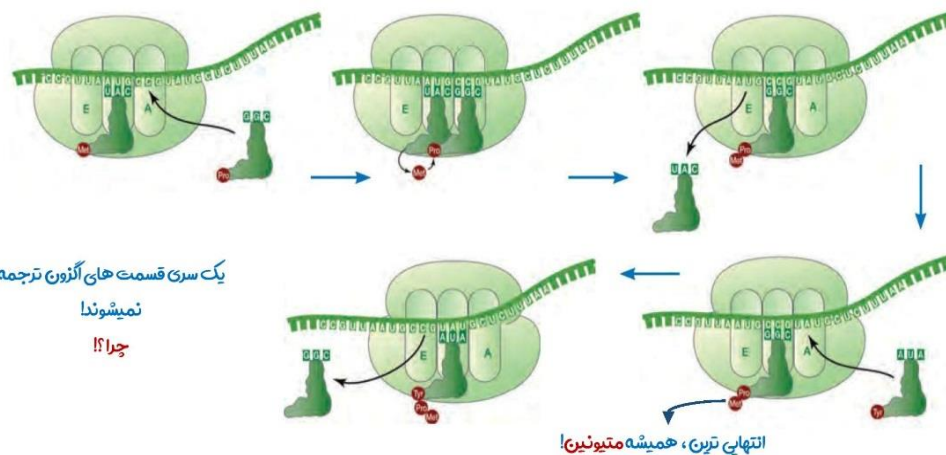


**مرحله طولی شدن:** در این مرحله ممکن است رزاهای ناقل مختلفی وارد جایگاه A رزانتن شوند ولی فقط رزایی که مکمل زمزه جایگاه A است، استقرار پیدا می کند؛ در غیر این صورت جایگاه را ترک می کند. سپس آمینواسید جایگاه P از رزای ناقل خود جدا می شود و با آمینواسید جایگاه A پیوند برقرار می کند. آیا می دانید پیوند حاصل چه نام دارد؟ پس از آن رزانتن به اندازه یک زمزه به سوی زمزه پایان پیش می رود. در این موقع رزای ناقل که حامل رشته پپتیدی در حال ساخت است در جایگاه P قرار می گیرد (علت نام گذاری جایگاه P) و جایگاه A خالی می شود تا پذیرای رزای ناقل بعدی باشد. رزای ناقل بدون آمینواسید نیز در جایگاه E قرار می گیرد و سپس از این جایگاه خارج می شود. این فرایند بارها تکرار می شود و طول زنجیره آمینواسیدی بیشتر می شود تا رزانتن به یکی از زمزه های پایان برسد (شکل ۱۲).

\* در مرحله طولی شدن هردو پیوند پپتیدی و هیدروژنی در جایگاه A تشکیل می شود.

\* در مرحله طولی شدن پیوند هیدروژنی در جایگاه E و پیوند استراکنی در جایگاه P شکسته می شوند

شکل ۱۲ - مرحله طولی شدن ترجمه



۳۰

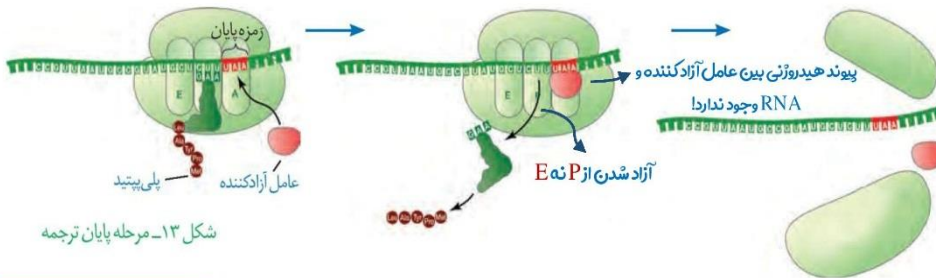
؟ (جاخالی) رمزه (کدون) آغاز هرگز وارد جایگاه ..... نمی شود. (خرداد ۱۴۰۲)

(انتخابی) در مرحله (آغاز - پایان) ترجمه فقط جایگاه P پر می شود و جایگاه A و E خالی می ماند. (شهریور ۱۴۰۰)

کامل شدن ساختار رزانتن (ریبوزوم) در کدام مرحله از فرایند ترجمه رخ می دهد؟ (دی ۱۴۰۰)

سؤال مهم  
آخرین حرکت در مرحله پایان است!

**مرحله پایان:** با ورود یکی از رمزهای پایان ترجمه در جایگاه A، چون رنای ناقل مکمل آن وجود ندارد، این جایگاه توسط پروتئین‌هایی به نام عوامل آزادکننده اشغال می‌شود. عوامل آزادکننده باعث جدا شدن پلی‌پپتید از آخرین رنای ناقل می‌شوند؛ همچنین باعث جدا شدن زیرواحدهای رناتن از هم و آزاد شدن رنای پیک می‌شوند. زیرواحدهای رناتن‌ها می‌توانند مجدداً این مراحل را تکرار کنند تا چندین نسخه از یک پلی‌پپتید ساخته شود (شکل ۱۳).



باکس نکات:

\* هم در مرحله آغاز و هم در مرحله پایان، کدون (رمزه) های دو جایگاه E و A بدون مکمل باقی می‌مانند.

\* در هنگام ترجمه، تعداد پادرمزه‌ها با تعداد آمینواسیدها برابر است.

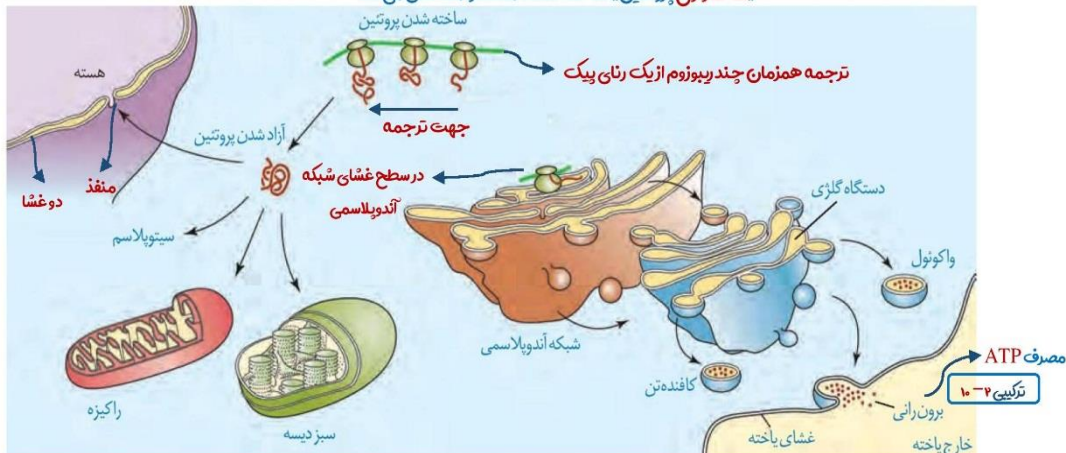
\* کدون (رمزه) پایان هرگز به جایگاه‌های E و P وارد نمی‌شود. (فقط جایگاه A)

### محل پروتئین‌سازی و سرنوشت آنها

پروتئین‌ها در بخش‌های مختلفی از یاخته ساخته می‌شوند. به طور کلی پروتئین‌سازی در هر بخشی از یاخته که رناتن‌ها حضور داشته باشند می‌تواند انجام شود. همان‌طور که در شکل ۱۴ می‌بینید، پروتئین‌های ساخته شده در سیتوپلاسم سرنوشت‌های مختلفی پیدا می‌کنند. بعضی از این پروتئین‌ها به شبکه آندوپلاسمی و دستگاه گلژی می‌روند و ممکن است برای ترشح به خارج رفته یا به بخش‌هایی مثل واکونول (گرمچه) و کافدهتن بروند. بعضی پروتئین‌ها نیز در سیتوپلاسم می‌مانند و یا اینکه به راکیزه‌ها، هسته و یا دیسه‌ها می‌روند. در هر یک از این موارد براساس مقصدی که پروتئین باید برود، نوآلی‌های آمینواسیدی در آن وجود دارد که پروتئین را به مقصد هدایت می‌کند (شکل ۱۴).

ترکیبی ۱-۱۳

«ساختار اول پروتئین» ساخته شده، مقصد را مشخص می‌کند



تولید پروتئین‌های هسته، دیسه، و راکیزه

توسط ریبوزوم‌های آزاد سیتوپلاسم

۱- Release Factors

تولید پروتئین‌های کافدهتن، گرمچه‌ها، و پروتئین‌های

ترش‌تی توسط ریبوزوم‌های سطح شبکه آندوپلاسمی

؟ (جاخالی) اولین آمینواسید در انتهای (آمینو - کربوکسیلی) رشته پلی‌پپتید تازه

ساخته شده، متیونین است. (خرداد ۱۴۰۲)

(انتخابی) در مرحله پایان ترجمه آخرین رنای ناقل بدون آمینواسید، از جایگاه (E - P) خارج می‌شود. (دی ۱۴۰۱)

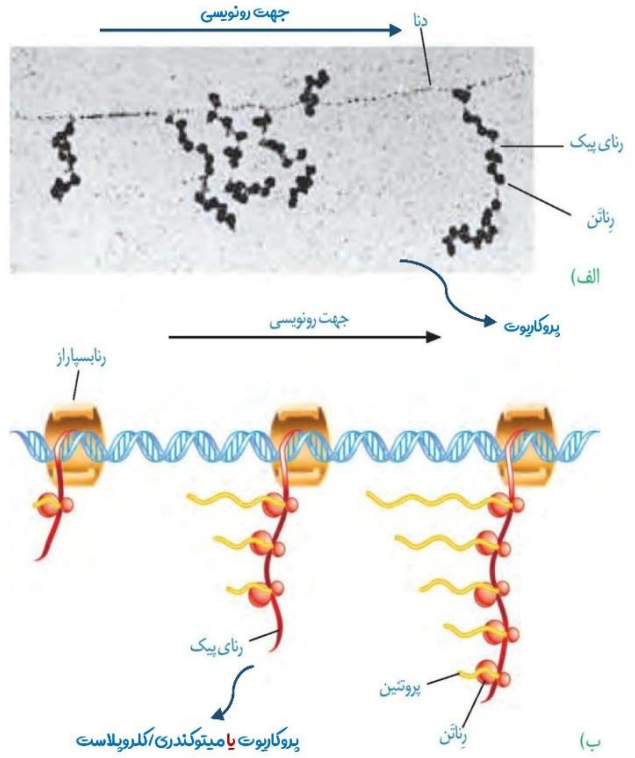
پروتئین‌های ساخته شده در سیتوپلاسم که به شبکه آندوپلاسمی و دستگاه گلژی می‌روند چه سرنوشت‌هایی پیدا

می‌کنند؟ (یک مورد) (دی ۱۴۰۱)

**سرعت و مقدار پروتئین سازی**

به طور کلی سرعت و مقدار پروتئین سازی در یاخته ها بسته به نیاز تنظیم می شود. در پروکاریوت ها پروتئین سازی حتی ممکن است پیش از پایان رونویسی رنای پیک آغاز شود؛ زیرا طول عمر رنای پیک در این یاخته ها کم است برای پروتئین هایی که به مقدار بیشتری مورد نیازند، ساخت پروتئین ها، به طور هم زمان و پشت سر هم توسط مجموعه ای از رناتن ها انجام می شود تا تعداد پروتئین بیشتری در واحد زمان ساخته شود (شکل ۱۵). در این مجموعه، رناتن ها مانند دانه های تسبیح و رنای پیک شبیه نخ می باشد که از درون این دانه ها می گذرد. همکاری جمعی رناتن ها به پروتئین سازی سرعت بیشتری می دهد.

تجمع رناتن ها در یاخته های یوکاریوتی نیز دیده می شوند. البته در این یاخته ها سازوکارهایی برای حفاظت رنای پیک در برابر تخریب وجود دارد. بنابراین، فرصت بیشتری برای پروتئین سازی هست. در مجموع، این عوامل موجب طولانی تر شدن عمر رنای پیک پیش از تجزیه می شود.



شکل ۱۵- الف) تصویر میکروسکوپی مجموعه رناتن ها (ب) طرحی ساده از رناتن هایی که چند رنای در حال رونویسی را ترجمه می کنند.

جهت ترجمه از سمت پلی پپتید کوتاه تر به سمت پلی پپتید بلندتر

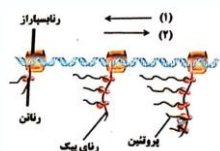
**فعالیت ۱**

الف) چه رابطه ای بین طول عمر رنای پیک یاخته ها با میزان پروتئین سازی آنها برقرار است؟ **طول عمر** ↑ ، **پروتئین سازی** ↑  
 ب) رونویسی و ترجمه در پروکاریوت ها و یوکاریوت ها را با هم مقایسه کنید.

**؟ (ص/غ) طول عمر رنای پیک (mRNA) در پروکاریوت ها بیشتر از یوکاریوت ها است. (خرداد ۱۳۹۸)**

**(انتخابی)** آنزیم های رنایساز از جاندارانی که فرصت بیشتری برای پروتئین سازی دارند، دارای تنوع (بیشتری - کمتری) هستند. (شهریور ۱۴۰۲)

شکل زیر طرح ساده ای از رناتن ایی (ریبوزومهایی) است که چند رنای در حال رونویسی را ترجمه می کنند با توجه به شکل به سوالات پاسخ دهید. (خرداد ۱۴۰۲)



کدام شماره، جهت رونویسی را نشان می دهد؟

\* هیچ ژنی برای کربوهیدرات‌ها و لیپیدها در DNA وجود ندارد. تولید کربوهیدرات‌ها و لیپیدها توسط آنزیم‌های پروتئینی انجام می‌شود.

\* بیان ژن فقط در سلول سازنده محصول انجام می‌شود.

## گفتار ۳ تنظیم بیان ژن

همه جا «تنظیم بیان ژن» روداریم، مثل:

!

در سال گذشته آموختید که همه یاخته‌های پیکری بدن از تقسیم رشتمان (میتوز) یاخته تخم منشأ می‌گیرند. یاخته‌های حاصل، از نظر فام‌تی و ژن‌ها یکسان‌اند. با این حال در ادامه تقسیمات و رشد جنین، یاخته‌های متفاوتی ایجاد می‌شوند که اعمال مختلفی انجام می‌دهند؛ مثلاً یاخته‌های عصبی و ماهیچه‌ای بدن یک فرد، ژن‌های یکسانی دارند ولی دارای عملکرد و شکل متفاوتی هستند. حال این سؤال مطرح می‌شود که چگونه ممکن است یاخته‌هایی با ژن‌های یکسان تا این حد متفاوت باشند؟ پاسخ این است که در هر یاخته تنها تعدادی از ژن‌ها فعال و سایر ژن‌ها غیر فعال هستند. هرگاه اطلاعات ژنی در یک یاخته مورد استفاده قرار بگیرد، می‌گوییم آن ژن بیان شده و به اصطلاح روشن است و ژنی که مورد استفاده قرار نمی‌گیرد خاموش و به اصطلاح بیان نشده است. مقدار، بازه و زمان استفاده از ژن در یاخته‌های مختلف یک جاندار ممکن است فرق داشته باشد و حتی در یک یاخته هم بسته به نیاز متفاوت باشد. به فرایندهایی که تعیین می‌کنند در چه هنگام به چه مقدار و کدام ژن‌ها بیان شوند و یا بیان نشوند، فرایندهای تنظیم بیان ژن می‌گویند. تنظیم بیان ژن فرایندی بسیار دقیق و پیچیده است و عوامل متعددی ممکن است بر آن اثر بگذارند. تنظیم بیان ژن موجب می‌شود تا جاندار به تغییرات پاسخ دهد؛ مثلاً در گیاه، نور می‌تواند باعث فعال شدن ژن سازنده آنزیمی شود که در فتوسنتز مورد استفاده قرار می‌گیرد. در نبود نور این ژن بیان نمی‌شود. همچنین تنظیم بیان ژن می‌تواند موجب ایجاد یاخته‌های مختلفی از یک یاخته شود. یاخته‌های متفاوتی که از یاخته‌های بنیادی مغز استخوان ایجاد می‌شوند، مثالی مناسب در این مورد هستند. در مورد این یاخته‌ها در کتاب دهم مطالبی را فرا بگیرید. آیا می‌توانید برخی یاخته‌های حاصل از یاخته‌های بنیادی مغز استخوان را نام ببرید؟

رویسکو، آنزیم سنتزکننده NADPH و ...

ترکیبی ۶-۱۳

### بیشتر بدانید

در باکتری‌ها ژن‌هایی که محصولات آنها چند فرایند مرتبط به هم را اداره می‌کند در واحدهایی به نام اپران قرار گرفته‌اند و بیان یا عدم بیان آنها به طور هماهنگ انجام می‌شود. برای مثال برای جذب و تجزیه لاکتوز در باکتری اشر شیا کلاسی، ۳ آنزیم مورد نیاز است که ژن‌های سازنده آنها در کنار هم قرار دارند و توسط یک بخش تنظیمی اداره می‌شوند. به مجموعه این ژن‌ها و بخش تنظیمی آن اپران گفته می‌شود. مثال دیگر، ژن‌های مسئول ساخت آمینواسید تریپتوفان است. ۵ ژن در ساخت این آمینواسید دخالت دارند که در یک اپران قرار دارند.

۱- Operons

### تنظیم بیان ژن در پروکاریوت‌ها

محصول ژن، رنا و پروتئین است. بنابراین، تغییر در فعالیت ژن‌ها، بر ساخت این محصولات نیز اثر می‌گذارد. تنظیم بیان ژن در پروکاریوت‌ها می‌تواند در هر یک از مراحل ساخت رنا و پروتئین تأثیر بگذارد ولی به طور معمول تنظیم بیان ژن در مرحله رونویسی انجام می‌شود. در مواردی هم ممکن است یاخته با تغییر در پایداری (طول عمر) رنا یا پروتئین، فعالیت آن را تنظیم کند.

### تنظیم رونویسی در پروکاریوت‌ها

در این نوع تنظیم عواملی به پیوستن رنا بسپاراز به توالی راه‌انداز کمک و یا مانع حرکت رنا بسپاراز می‌شوند. در نتیجه، رونویسی ژن تسهیل یا ممانعت می‌شود؛ مثلاً با اتصال پروتئین‌های خاصی به بخشی از DNA که سر راه رنا بسپاراز است، از انجام رونویسی جلوگیری می‌شود. نمونه این نوع تنظیم، در نوعی باکتری به نام اشر شیا کلاسی<sup>۱</sup> شناخته شده است. قند مصرفی **ترجیحی** این باکتری گلوکز است.

۱- Regulation of gene expression

۲- *Escherichia coli*

؟ (ص/غ) تنظیم بیان ژن موجب ایجاد یاخته‌های متفاوتی از یاخته‌های بنیادی مغز استخوان می‌شود.

(شهریور ۱۳۹۹)

چرا یاخته‌های عصبی و ماهیچه‌ای بدن یک فرد ژن‌های یکسانی دارند ولی دارای عملکرد و شکل متفاوتی هستند؟ (خرداد ۱۴۰۲)

بکس نکات:

\* در ژن یک mRNA سه ژنی، یک محل شروع رونویسی و یک محل پایان رونویسی وجود دارد. (DNA)

\* در یک mRNA سه ژنی، ۳ کدون (رمزه) آغاز و ۳ کدون پایان وجود دارد.

\* وجود یا عدم وجود لاکتوز و مالتوز در محیط، ارتباطی با بیان ژن‌های مهارکننده و فعال کننده ندارد.

\* پروتئین مهارکننده سبب جدا شدن رنابسپاراز از راه‌انداز نمی‌شود؛ فقط مانع از حرکت آن می‌شود.

مرحله تجزیه قند گلوکز در یاخته را در فصول بعد خواهید آموخت. اگر گلوکز در محیط باکتری وجود نداشته باشد ولی قند دیگری به نام **لاکتوز** در اختیار باکتری قرار بگیرد، باکتری می‌تواند از این قند استفاده کند. این قند متفاوت از گلوکز بوده است و آنزیم‌های لازم برای مصرف آن نیز متفاوت است. بنابراین وقتی لاکتوز در محیط وجود دارد باکتری باید آنزیم‌های تجزیه کننده آن را بسازد و در نبود یا کاهش لاکتوز نیز ساخت آنزیم‌های تجزیه کننده آن متوقف یا کاهش پیدا کند. حال این پرسش پیش می‌آید که باکتری چگونه می‌تواند حضور لاکتوز را در محیط تشخیص دهد و آنزیم‌های تجزیه کننده آن را بسازد؟ ژن‌هایی که این آنزیم‌ها را می‌سازند چگونه روشن و یا خاموش می‌شوند؟ در پروکاریوت‌ها بیان ژن به دو صورت منفی و مثبت تنظیم می‌شود.

**تنظیم منفی رونویسی:** در گفتار ۱ آموختید که رونویسی با چسبیدن رنابسپاراز به راه‌انداز مربوط به ژن شروع می‌شود. حال اگر مانعی بر سر راه رنابسپاراز وجود داشته باشد، رونویسی انجام نمی‌شود. به این نوع تنظیم، تنظیم منفی رونویسی گفته می‌شود. مانع پیش روی رنابسپاراز نوعی پروتئین به نام **مهارکننده** است. این پروتئین به توالی خاصی از دنا به نام **اپراتور** متصل می‌شود و جلوی حرکت رنابسپاراز را می‌گیرد (شکل ۱۶-الف). لاکتوز موجود در محیط به باکتری وارد می‌شود و با اتصال به مهارکننده، شکل آن را تغییر می‌دهد. تغییر شکل مهارکننده، آن را از اپراتور جدا می‌کند و نیز مانع از اتصال آن به اپراتور می‌شود. با برداشته شدن مانع سر راه، رنابسپاراز می‌تواند رونویسی ژن‌ها را انجام دهد (شکل ۱۶-ب). محصولات این ژن‌ها تجزیه لاکتوز را ممکن می‌کند.

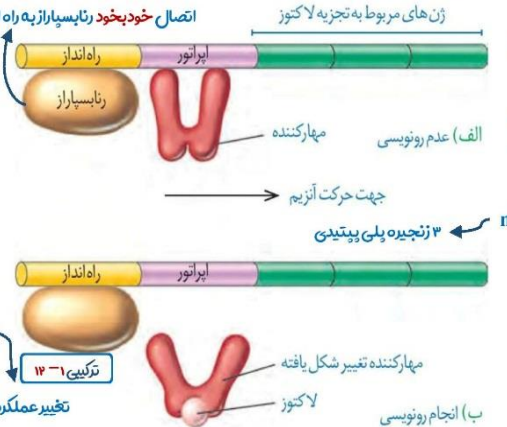
**تنظیم مثبت رونویسی:** در این نوع تنظیم، پروتئین‌های خاصی به رنابسپاراز کمک می‌کنند تا بتواند به راه‌انداز متصل شود و رونویسی را شروع کند. مثال این نوع تنظیم نیز در باکتری اشرشیاکلاهی وجود دارد. مشخص شده که اگر در محیط باکتری، قند **مالتوز** وجود داشته باشد، درون باکتری آنزیم‌های ساخته می‌شوند که در **تجزیه آن** دخالت دارند. در عدم حضور مالتوز این آنزیم‌ها ساخته نمی‌شوند چون باکتری نیازی به آنها ندارد. **نه تشکیل!**

تنظیم رونویسی در مورد این ژن‌ها به صورت مثبت انجام می‌شود. در حضور قند مالتوز، نوعی از پروتئین به نام **فعال کننده** وجود دارند که به توالی خاصی از دنا متصل می‌شوند. به این توالی‌ها **جایگاه اتصال فعال کننده** گفته می‌شود. (شکل ۱۷-الف) در حضور مالتوز در محیط، پروتئین فعال کننده به جایگاه خود متصل می‌شود و پس از اتصال به رنابسپاراز کمک می‌کند تا به راه‌انداز متصل شود.

- ۱- Lactose
- ۲- Repressor
- ۳- Operator
- ۴- Maltors
- ۵- Activator
- ۶- Activator Binding Site

اگر هر دو باشند، گلوکز استفاده می‌شود

شکل ۱۶- الف) عدم رونویسی ژن‌ها در غیاب لاکتوز (ب) رونویسی ژن‌ها در حضور لاکتوز



ژن کنار هم  
↓  
راه‌انداز  
↓  
رونویسی  
مشترک  
↓  
mRNA ۱

بیشتر بدانید

تنظیم منفی در پروکاریوت به دو صورت **القایی** و **مهارتی** انجام می‌شود. در حالت القایی، حضور یک ماده موجب بیان ژن‌ها می‌شود. تنظیم بیان ژن در حضور لاکتوز مثالی از تنظیم منفی از نوع القایی است. در حالت مهارتی، حضور یک ماده موجب خاموش شدن ژن و عدم بیان آنها می‌شود. مثال این نوع تنظیم در مورد آمینواسید **تریپتوفان** دیده می‌شود. در باکتری اشرشیاکلاهی با حضور تریپتوفان، ژن‌هایی که در ساخت آن دخالت دارند خاموش می‌شوند. وقتی تریپتوفان در محیط نیست، این ژن‌ها روشن می‌شوند تا آنزیم‌های سازنده تریپتوفان ساخته شوند.

- ۱- Inducer
- ۲- Repressor

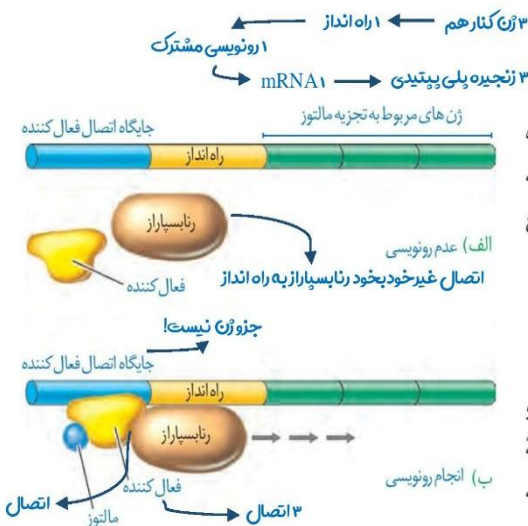
؟ (جاخالی) در باکتری اشرشیاکلاهی تنظیم رونویسی در مورد ژن‌های مؤثر در تجزیه مالتوز به صورت ..... انجام می‌شود. (دی ۱۴۰۱)

(جای خالی) در باکتری اشرشیاکلاهی توالی خاصی از دنا که بین راه‌انداز و ژن‌های مربوط به تجزیه لاکتوز قرار گرفته است، توسط پروتئین ..... اشغال می‌شود. (شهریور ۱۴۰۲)

(انتخابی) در تنظیم منفی رونویسی در باکتری اشرشیاکلاهی، مانع پیش روی رنا بسپار از نوعی پروتئین به نام (مهار کننده / عوامل رونویسی) است. (خرداد ۱۴۰۱)

\* راه انداز ژن های آنزیم های تجزیه کننده مالتوز برخلاف راه انداز ژن های آنزیم های تجزیه کننده لاکتوز، در مجاورت محل شروع رونویسی است.

\* در یوکاریوت ها تنظیم بیان ژن در میتوکنندری و کلروپلاست هم انجام می شود.



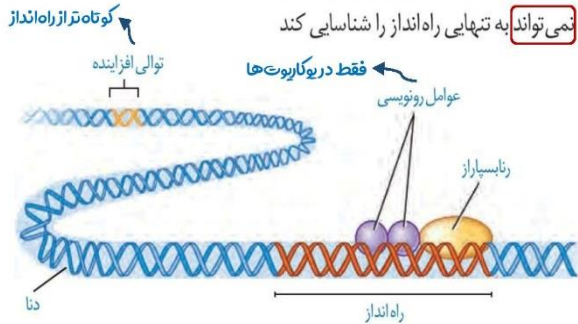
شکل ۱۷- تنظیم مثبت رونویسی ژن های مؤثر در تجزیه مالتوز

### تنظیم بیان ژن در یوکاریوت ها

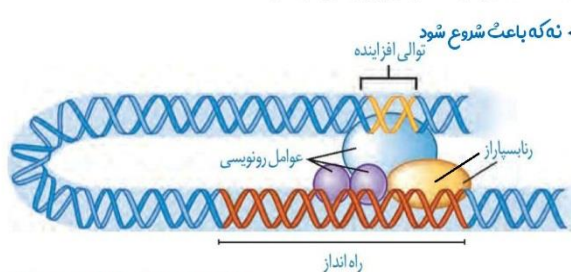
تنظیم بیان ژن در یوکاریوت ها پیچیده تر از پروکاریوت هاست و می تواند در مراحل بیشتری انجام شود. یاخته های یوکاریوتی به وسیله غشاها به بخش های مختلفی تقسیم شده اند. بنابراین، برای آنکه یاخته نسبت به یک ماده واکنش نشان دهد، آن ماده باید به طریقی از غشاها عبور کند و ژن ها را تحت تأثیر قرار دهد. در یاخته های یوکاریوتی، بیشتر ژن ها در هسته و برخی در راکبزه ها و دیسه ها قرار دارند. در هر یک از این محل ها، یاخته می تواند بر بیان ژن نظارت داشته باشد. بنابراین تنظیم بیان ژن می تواند در مراحل متعددی انجام شود.

### تنظیم بیان ژن در مرحله رونویسی: در یوکاریوت ها نیز مانند پروکاریوت ها، رونویسی با پیوستن

رنابسپاراز به راه انداز آغاز می شود. در یوکاریوت ها رنابسپاراز نمی تواند به تنهایی راه انداز را شناسایی کند و برای پیوستن به آن نیازمند پروتئین هایی به نام عوامل رونویسی هستند. گروهی از این پروتئین ها با اتصال به نواحی خاصی از راه انداز، رنابسپاراز را به محل راه انداز هدایت می کند، چون تمایل پیوستن این پروتئین ها به راه انداز در اثر عواملی تغییر می کنند، مقدار رونویسی ژن آن هم تغییر می کند (شکل ۱۸).



در یوکاریوت ها ممکن است عوامل رونویسی دیگری به بخش های خاصی از دنا به نام توالی افزایشنده متصل شوند. با پیوستن این پروتئین ها به توالی افزایشنده و با ایجاد خمیدگی در دنا، عوامل رونویسی در کنار



شکل ۱۹- توالی افزایشنده و عوامل رونویسی متصل به آن

هم قرار می گیرند. کنار هم قرارگیری این عوامل، سرعت رونویسی را افزایش می دهند. توالی های افزایشنده متفاوت از راه انداز هستند و ممکن است در فاصله دوری از ژن قرار داشته باشند. اتصال این پروتئین ها بر سرعت و مقدار رونویسی ژن مؤثر است (شکل ۱۹).

- ۱- Transcription Factors
- ۲- Enhancer

؟ (انتخابی) در باکتری اشرشیاکلاهی در تنظیم (مثبت - منفی) رونویسی، مانع پیش روی رنابسپاراز از نوعی

پروتئین به نام مهار کننده است. (دی ۱۳۹۹)

(انتخابی) در باکتری اشرشیاکلاهی، تنظیم مثبت رونویسی در مورد ژن های مؤثر در تجزیه (مالتوز -

لاکتوز) انجام می شود. (شهریور ۱۳۹۹)

(انتخابی) در تنظیم (منفی - مثبت) رونویسی، پروتئین های خاصی به رنابسپاراز از RNA پلی مراز کمک می کنند

تا بتواند به راه انداز متصل شود و رونویسی را شروع کند. (خرداد ۱۳۹۸)

## پاکس نکات:

- \* هورمون‌ها کل عملکردشان را با تغییر بیان ژن انجام می‌دهند.
- \* حساسیت رنای پیک هم در پروکاریوت‌ها و هم در یوکاریوت‌ها می‌تواند تغییر کند.

## بیشتر بدانید

بعضی ژن‌ها در یاخته‌ها به طور دائم بیان می‌شوند. ژن‌های سازنده اجزای رناتن از این جمله‌اند. این ژن‌ها رنای رناتن و پروتئین‌های آن را می‌سازند. با توجه به نیاز یاخته‌های درحال تقسیم به تعداد زیادی رناتن، این ژن‌ها به طور دائم روشن هستند.

**تنظیم بیان ژن در مراحل غیررونویسی:** در یوکاریوت‌ها تنظیم بیان ژن می‌تواند پیش از رونویسی یا پس از آن هم انجام شود. اتصال بعضی رناهای کوچک مکمل به رنای پیک مثالی از تنظیم بیان ژن پس از رونویسی است. با اتصال این رناها، از کار رناتن جلوگیری می‌شود. در نتیجه، عمل ترجمه متوقف و رنای ساخته شده پس از مدتی تجزیه می‌شود.

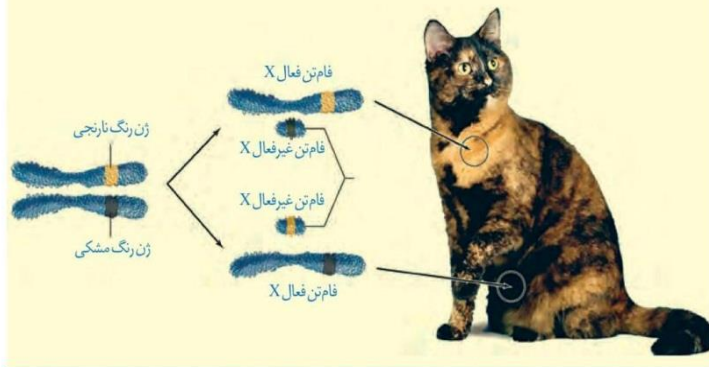
روش تنظیم دیگر در سطح فام‌تنی است. به طور معمول بخش‌های فشرده فام‌تن کمتر در دسترس رنابسیارازها قرار می‌گیرند بنابراین یاخته می‌تواند با تغییر در میزان فشرده‌گی فام‌تن در بخش‌های خاصی، دسترسی رنابسیاراز را به ژن مورد نظر تنظیم کند. به نظر شما این تنظیم بیان ژن پیش از رونویسی است یا پس از آن؟ ← تعداد نوکلئوزوم‌های یک کروموزوم، ثابت نیست.

از روش‌های دیگر تنظیم بیان ژن طول عمر رنای پیک است. افزایش طول عمر رنای پیک موجب افزایش محصول می‌شود. این فرایندها در میزان پروتئین‌سازی مؤثر خواهند بود. شیوه‌های دیگری نیز در تنظیم بیان ژن مؤثرند که نحوه عمل بسیاری از آنها ناشناخته است.

## بیشتر بدانید

بیان ژن به روش‌های مختلفی ممکن است کاهش یا افزایش یابد. یکی از این روش‌ها افزایش تعداد ژن‌هایی است که به محصولات آنها به مقدار زیادی نیاز است. در این موارد ممکن است یاخته چندین کپی از یک ژن داشته باشد. در نتیجه رونویسی از تعداد بیشتری ژن انجام شود. این حالت موجب ساخت محصول بیشتر در زمان کمتر می‌شود. نمونه این ژن‌ها، ژن‌های سازنده رنای رناتنی است. نوعی از این رنای رناتنی هزاران ژن در یک یاخته دوزیست دارد.

روش دیگر فعال یا غیرفعال کردن برخی فام‌تن‌ها مانند فام‌تن X در انسان است. چون در یاخته‌های پیکری زن، دو نسخه از فام‌تن X و در مرد یک نسخه وجود دارد، برای بیان متعادل در دو جنس، یکی از فام‌تن‌های X در یاخته‌های زن غیرفعال می‌شود تا ژن‌های آن بیان نشوند. در اثر این فرایند ژن‌های فام‌تن X در زن و مرد، به یک نسبت بیان می‌شود. مثالی از بیان ژن‌های روی فام‌تن X و اثرات آن بر صفات را در تصویر زیر مشاهده می‌کنید. در یاخته‌ها، یکی از فام‌تن‌های X به صورت تصادفی غیرفعال می‌شوند.



؟ (ص/غ) اتصال بعضی رناهای کوچک مکمل به رنای پیک (mRNA) مثالی از تنظیم بیان ژن پیش از رونویسی است. (شهریور ۱۴۰۱)

(ص/غ) در یوکاریوت‌ها، اتصال بعضی رناهای کوچک مکمل به رنای پیک مثالی از تنظیم بیان ژن پس از رونویسی است. (دی ۱۳۹۷)

(انتخابی) اتصال بعضی رناهای کوچک مکمل به رنای (پیک - ناقل) مثالی از تنظیم بیان ژن، پس از رونویسی است. (خرداد ۱۴۰۰)